

22^o Encontro de
Iniciação Científica
da UENF14^o Circuito de
Iniciação Científica
do IFFluminense10^a Jornada de
Iniciação Científica
da UFF

IX

Congresso
Fluminense de
Iniciação Científica e
Tecnológica

II

Congresso
Fluminense de
Pós-Graduação17^a Mostra de
Pós-Graduação
da UENF2^a Mostra de
Pós-Graduação
do IFFluminense2^a Mostra de
Pós-Graduação
da UFF**Ciência, tecnologia e inovação no Brasil: desafios e transformações**

Índice de seleção e estimativas de parâmetros genéticos e fenotípicos para características associadas à produção de milho superdoce

Nayara Norrene Lacerda Durães, Jocarla Ambrosim Crevelari, José Arantes Ferreira Junior, Gabriel Moreno Bernardo Gonçalves, Messias Gonzaga Pereira

O milho superdoce é uma espécie olerícola de alto valor agregado, que no estágio de milho verde é destinado ao consumo humano devido ao sabor dos grãos. O Brasil possui potencial para expandir sua produção, no entanto, mais pesquisas são necessárias para dar suporte e permitir alta produtividade aliada à boa qualidade do produto. Em vista disso, iniciou-se um programa de melhoramento genético de milho superdoce na Universidade Estadual do Norte Fluminense. O objetivo do presente trabalho foi estimar parâmetros genéticos e fenotípicos, classificar e identificar via índice de soma de “ranks”, híbridos de milho superdoce promissores ao mercado consumidor de milho verde e avaliar a eficiência dos pesos econômicos atribuídos. Foram avaliados os caracteres: peso médio de espigas despalhadas, produtividade de espigas despalhadas; diâmetro de espigas, comprimento de espigas e número de fileiras de grãos de 90 híbridos simples, obtidos por meio de cruzamento dialélico entre 19 linhagens endogâmicas de milho superdoce. Os experimentos de avaliação foram conduzidos em Campos dos Goytacazes e Itaocara-RJ. O delineamento usado foi um látice simples duplicado com 4 repetições. Os resultados determinaram que a seleção terá sucesso, pois a herdabilidade foi de elevada magnitude para os caracteres avaliados. Os pesos econômicos atribuídos foram eficientes em discriminar e identificar os híbridos mais promissores para a produção de milho superdoce, podendo ser utilizados como critério de seleção em programas de melhoramento de milho superdoce. Os híbridos HS1, HS2, HS20, HS9 e HS19 acumularam um maior número de caracteres desejados em um único genótipo, com base no índice de seleção baseado na soma de “ranks”, sendo os mais promissores para a produção do milho verde superdoce.

Palavras-chave: Índice de Seleção, Herdabilidade, Melhoramento Genético

Instituição de fomento: CAPES, CNPq, FAPERJ, UENF