



## Seleção de genótipos de feijão-vagem utilizando análise multivariada

*Tâmara Rebecca Albuquerque de Oliveira, Geraldo de Amaral Gravina, Derivaldo Pureza da Cruz, Camila Queiroz da Silva Sanfim de Sant'Anna, Gustavo Hugo Ferreira de Oliveira, Richardson Sales Rocha, Israel Martins Pereira*

O feijão-vagem é uma hortaliça muito apreciada no Brasil e vem se mostrando promissora na região sudeste. No entanto, um dos problemas enfrentados é a falta de cultivares específicas para esta região, sendo assim, programas de melhoramento voltados para o maior rendimento desta espécie são necessários, para selecionar e desenvolver genótipos adaptados para recomendar aos agricultores. O objetivo deste trabalho foi selecionar genótipos de feijão-vagem utilizando análise multivariada. O delineamento utilizado foi de blocos casualizados, com quatro repetições e 30 tratamentos. A parcela foi composta por 4 linhas de 5m com espaçamento entre linhas de 1,0m e 0,5m entre parcelas. O plantio foi realizado semeando-se três sementes em cada cova, dez dias após o plantio foi realizado o desbaste, deixando uma planta por cova. Quinze dias após a emergência as plantas foram tutoradas com bambu e arame. As análises foram realizadas com base nas oito plantas centrais da fileira. As adubações seguiram as orientações dos resultados das análises de solo. Os tratos culturais e fitossanitários foram feitos de acordo com os recomendados para a cultura e a irrigação foi feita por aspersão. Foram feitas análises de componentes principais, biplot e o agrupamento pelo método UPGMA para número médio de vagem por planta, peso médio de vagem, número de sementes por vagem, comprimento de vagem, largura de vagem, total de vagens, peso de cem sementes, produtividade de vagem e produtividade de grãos. A análise de componentes principais representou 63,5% da variância total, se mostrando eficiente na representação gráfica. As variáveis comprimento de vagem, número de sementes por vagem, peso médio de vagem e peso de cem sementes apresentaram correlação positiva para a característica produtividade de grãos, sendo indicadas para seleção direta. Largura de vagem e total de vagens se mostraram eficientes para seleção da variável produtividade de vagem. As linhagens 1, 3, 5, 6, 8, 9, 20 e 26 apresentaram maiores potenciais tanto para produtividade de vagem quanto para produtividade de grãos, sendo alocadas nos grupos 2 e 4.

Palavras-chave: Análise multivariada, Distância genética, *Phaseolus vulgaris* L.

Instituição de fomento: CNPq, CAPES e FAPERJ.