

XU Congresso
Fluminense
de Iniciação
Científica e Tecnológica

28^o

Encontro de
Iniciação
Científica
da UENF

20^o

Circuito de
Iniciação
Científica do
IFFluminense

16^a

Jornada de
Iniciação
Científica
da UFF



U III Congresso
Fluminense de
Pós-Graduação

23^a

Mostra de
Pós-Graduação
da UENF

8^a

Mostra de
Pós-Graduação
do IFFluminense

8^a

Mostra de
Pós-Graduação
da UFF

Caracterização molecular e filogenia de espécies de *Cryptosporidium* em canário-da-terra *Sicalis flaveola*

Amanda Vieira da Silva, Taynara Kerolayne Santos Elizeu, Marina Boechat Vargas de Andrade, Sheila Batista Antunes Pinto, Samira Salim Mello Gallo, Nicole Brand Ederli, Francisco Carlos Rodrigues de Oliveira

Cryptosporidium spp. são protozoários que atualmente estão inseridos no filo Apicomplexa, Classe Gregarinomorpha, subclasse Cryptogregarina e família Criptosporidiidae. É um gênero ubiqüitário com em média 44 espécies e 120 genótipos reconhecidos, que se destacam pela elevada importância na Saúde única, alto potencial zoonótico e o amplo espectro de hospedeiros vertebrados incluindo seres humanos. Sabe-se que cerca de oito espécies já foram identificadas em aves (*C. meleagridis*, *C. baileyi*, *C. galli*, *C. ornithophilus*, *C. proventriculi*, *C. avium*, *C. parvum* e *C. andersoni*). O objetivo da pesquisa foi identificar e caracterizar molecularmente espécies de *Cryptosporidium* em amostras fecais de canário-da-terra, *Sicalis flaveola*, criados em cativeiro. Amostras fecais de seis pássaros desta espécie provenientes de uma loja que comercializa pássaros ornamentais na cidade de Campos dos Goytacazes, estado do Rio de Janeiro, Brasil, foram submetidas a exames com finalidade de detectar a presença de *Cryptosporidium* spp.. Para tanto foram utilizadas a técnica de Ziehl-Neelsen modificada e nested PCR do gene 18S rRNA, seguido de sequenciamento do fragmento amplificado e as sequências de nucleotídeos foram depositadas no GenBank. A partir destas sequências, análises filogenéticas foram realizadas. No presente estudo, identificamos apenas duas das oito espécies de *Cryptosporidium* já encontradas em aves, respectivamente *C. galli* com uma positividade de 100% e *C. andersoni*, identificado em apenas um dos pássaros o que caracterizou uma infecção mista. Os canários infectados manifestaram sintomas comuns como penas eriçadas e sujas de fezes. A alta carga parasitária de *C. galli* em todas as aves desta pesquisa caracteriza que *S. flaveola* é hospedeiro dessa espécie de protozoários que também pode contribuir para a manutenção da infecção intraespecífica e interespecífica em ambientes com grandes números de aves. Já *C. andersoni* deteve uma menor prevalência o que indica que essa espécie de pássaro seja considerada um bom hospedeiro ou apenas portador. Pelos resultados de ser o terceiro relato de parasitismo por *C. galli* em *S. flaveola* podemos concluir que este parasita tem relevada importância sanitária em criações deste pássaro em cativeiro e a presença de *C. andersoni*, que tem importância, principalmente na bovinocultura, pode ser albergado em aves silvestres mantendo a população deste protozoário no meio ambiente de convívio entre os canários-da-terra e possivelmente outras aves silvestres e os bovinos, principalmente em estábulos onde estas aves costumam encontrar abrigo para se reproduzir e se alimentar.

Instituição do Programa PG: Universidade Estadual do Norte Fluminense Darcy Ribeiro (UENF)
Eixo temático: Ciências Agrárias Animal
Fomento da bolsa: UENF

ORGANIZAÇÃO E REALIZAÇÃO:



APOIO:

