



A Ciência e os caminhos do desenvolvimento

ESTIMAÇÃO DE PARÂMETROS GENÉTICOS EM POPULAÇÕES DE MARACUJAZEIRO AZEDO SOB SELEÇÃO RECORRENTE INTRAPOPULACIONAL: MÉTODOS FREQUENTISTAS E BAYESIANOS

André Oliveira Souza, Alexandre Pio Viana

Introdução: O Brasil, desde a década de 70, vem se destacando como maior produtor mundial de maracujá azedo, devido a uma crescente evolução na área de cultivo. Muitos melhoristas concordam que a metodologia dos modelos mistos (REML/BLUP) é a melhor alternativa para a predição dos valores genéticos na avaliação de plantas perenes ou semi-perene. Diversos trabalhos no melhoramento vegetal têm enfatizado a obtenção de estimativas de valores genéticos por modelos Bayesianos e pelo modelo linear misto.

Objetivo: Obter estimativas de componentes de variância pelo modelo linear misto e modelo bayesiano para auxiliar na seleção de indivíduos promissores. **Metodologia:** Foi simulado um experimento no delineamento experimental em blocos ao acaso (DBC), com dez tratamentos, quatro blocos associado a uma variável resposta (Poisson) que representa o número de frutos por planta. Os modelos propostos para o número de frutos foram no esquema em linhas e colunas a posteriori como descrito por (Gezan et al., 2006, Silva, 2016). Os modelos propostos formam o linear mistos e modelo bayesano com priori não informativa. **Resultados:** Foi possível obter as estimativas de herdabilidade pelos dois métodos de estimação usando o software R, no entanto, as estimativas de herdabilidade foram divergentes para os dois métodos de estimação. **Discussão e Conclusão:** Os resultados preliminares mostram que apesar da convergência das cadeias para cada parâmetro estimado é necessário inserir uma priori informativa no modelo bayesiano para obter estimativas que permitam selecionar de forma mais precisa.

Palavras-chave: Estimação, Inferência, Passiflora

Instituição de fomento: CAPES, UENF, IFES