



DIVERSIDADE GENÉTICA EM SEGREGANTES INTERESPECÍFICOS DE *Vitis* spp VISANDO SUBSIDIAR PROGRAMA DE MELHORAMENTO DA VIDEIRA PARA RESISTÊNCIA AO MÍLDEO

José Daniel Gomes Andrade, Eileen Azevedo Santos, Fernando Henrique de Barros Walter,
Julie Anne Vieira Salgado de Oliveira, Alexandre Pio Viana

O míldio causado por *Plasmopara viticola*, é a doença considerada de maior importância econômica para a videira. O cruzamento interespecífico apresenta importantes implicações dentro do programa de melhoramento da uva, especialmente no intuito da introgressão de genes de uma espécie resistente para outra suscetível. O presente estudo teve por objetivos quantificar a diversidade genética de uma população segregante de *Vitis* spp por meio de marcadores moleculares ISSR (*Inter Simple Sequence Repeats*) visando indicar indivíduos divergentes para futuros cruzamentos. Foram utilizados 75 híbridos interespecíficos resultantes de cruzamentos entre diferentes seleções de *Vitis* e a variedade 'Niagara' utilizada como testemunha. O DNA genômico de cada indivíduo foi extraído pelo método CTAB e foram utilizados 12 iniciadores ISSR. A eletroforese foi realizada em gel de agarose a 2% para separação dos fragmentos. A distância entre os genótipos foi estimada pelo índice de Jaccard e o agrupamento dos indivíduos foi realizado pelo método UPGMA. Todos os iniciadores foram polimórficos para os 76 genótipos analisados. O número de bandas por iniciador variou de 3 a 14, resultando em um total de 69 bandas todas polimórficas. Verificou-se a formação de cinco grupos: o grupo III foi constituído pela maioria dos híbridos e a variedade Niagara totalizando 70 genótipos, os grupos II e IV com 2 indivíduos cada e os grupos I e V foram formados por apenas um indivíduo. Os grupos I, II, III e V possuem maior similaridade com os genitores de origem vinífera Nocera (*V. vinifera*) e do genitor 06354-047 de origem interespecífica entre *V. vinifera* x *V. rotundifolia* que possui resistência ao míldio. Já o indivíduo 13 pertencente ao grupo IV foi o único com maior similaridade genética com o genitor de origem vinífera, 07355-075 resistente a bactéria *Xylella fastidiosa* e o genitor de origem asiática *Vitis rotundifolia* C166-043. Os marcadores ISSR foram eficientes na discriminação dos cruzamentos entre diferentes espécies de *Vitis*, possibilitando a indicação de cruzamentos mais divergentes visando a incorporação de resistência ao míldio e a *Xylella fastidiosa*.

Palavras-chave: *Vitis vinifera*, *Plasmopara viticola*, Marcadores de DNA.

Instituição de fomento: UENF, FAPERJ, CNPq