



QUANTIFICAÇÃO DA DIVERSIDADE GENÉTICA EM PROGÊNIES DE MEIOS IRMÃOS DE MARACUJAZEIRO-AZEDO POR MEIO DE MARCADORES DE DNA

Fernando Henrique de Barros Walter, Alexandre Pio Viana, Eileen Azevedo Santos, Natan Ramos Cavalcante, Julie Anne Vieira Salgado de Oliveira

Em 1998 a Universidade Estadual do Norte Fluminense Darcy Ribeiro (UENF), iniciou o programa de melhoramento genético do maracujazeiro azedo, via seleção recorrente intrapopulacional. Esse programa tem como objetivo o lançamento de cultivares mais produtivas e adaptadas às condições climáticas da região norte fluminense. Com isso têm-se buscado o uso de estratégias que visem acelerar o processo seletivo dos caracteres de interesse econômico. A associação entre técnicas moleculares e procedimentos convencionais permite reduzir o tempo e aumentar a velocidade de resposta dos programas. Nesse sentido, o objetivo do trabalho foi realizar a caracterização genético-molecular para os 95 genótipos obtidos das 20 melhores famílias de meios-irmãos de maracujazeiro utilizando marcadores microssatélites, a fim de selecionar genótipos superiores e divergentes para futuros cruzamentos. O DNA genômico de cada indivíduo foi extraído pelo método CTAB e foram utilizados seis iniciadores SSR. A eletroforese foi realizada em gel de agarose metaphor a 4% para separação dos fragmentos. A distancia entre os genótipos foi estimada pelo índice ponderado e o agrupamento dos indivíduos foi realizado pelo método UPGMA. O número de alelos por loco variou de dois a quatro alelos com uma média de 2,33 alelos por loco, considerando todo o conjunto de dados. A heterozigosidade média observada (0,31) foi maior que a esperada (0,27), conseqüentemente o índice de fixação foi negativo (-0,11) para todos os locos, o que é esperado em espécies alógamas e autoincompatíveis como o maracujazeiro. O índice de informação indicou ampla diversidade entre os genótipos com média de 0,47. Verificou-se a formação de cinco grupos: o grupo V foi constituído pela maioria dos indivíduos totalizando 68 genótipos, o grupo III com 23 indivíduos, o grupo II formado por dois indivíduos e os grupos I e IV foi estabelecido por apenas um indivíduo. Os indivíduos mais divergentes e com boa produtividade de frutos serão recombinados para incorporação de um maior número de alelos favoráveis na população nos ciclos subsequentes.

Palavras chave: *P. edulis*, Marcadores Microssatélites, Seleção Recorrente.

Instituição de fomento: UENF, FAPERJ, CNPq.